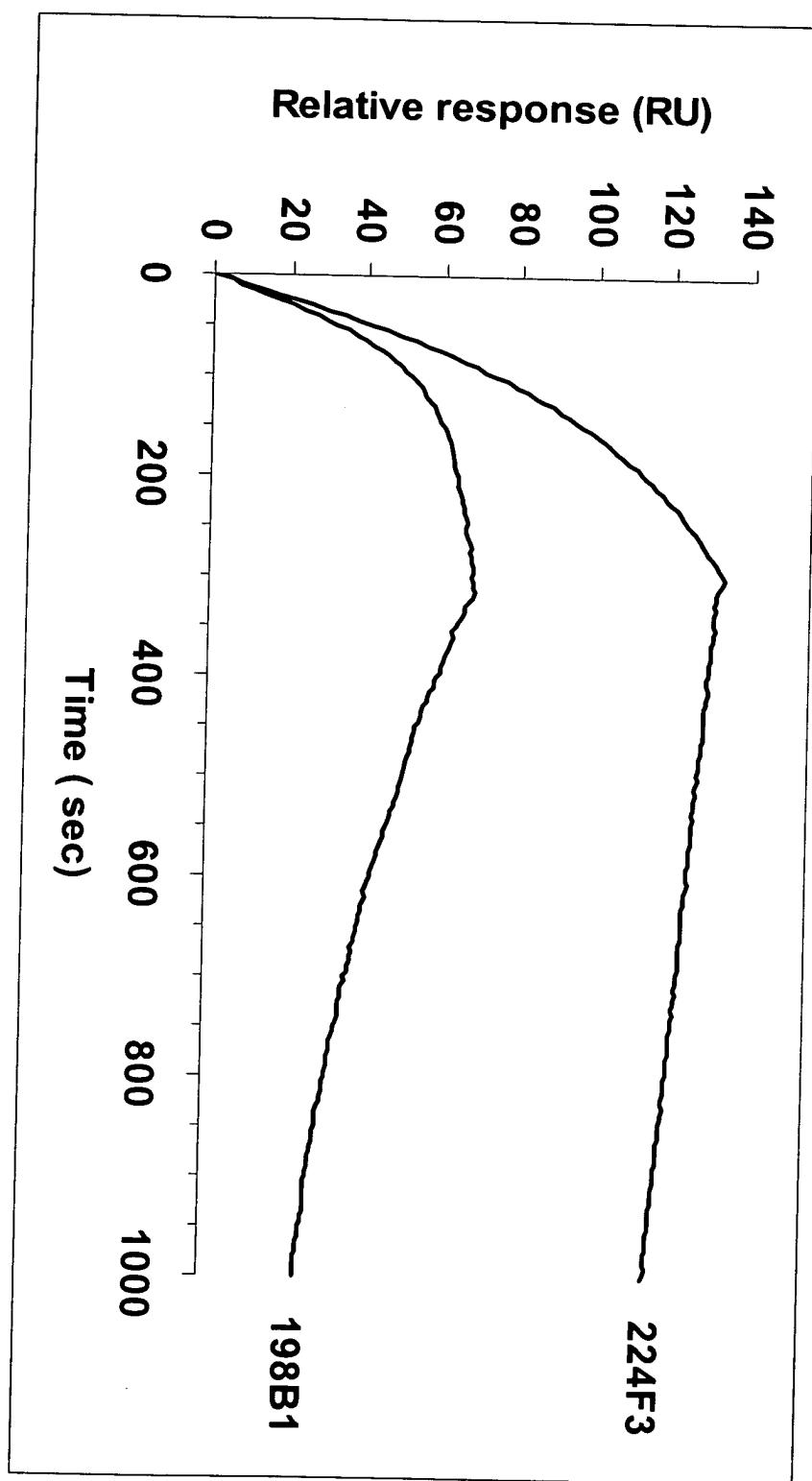


Figure 1



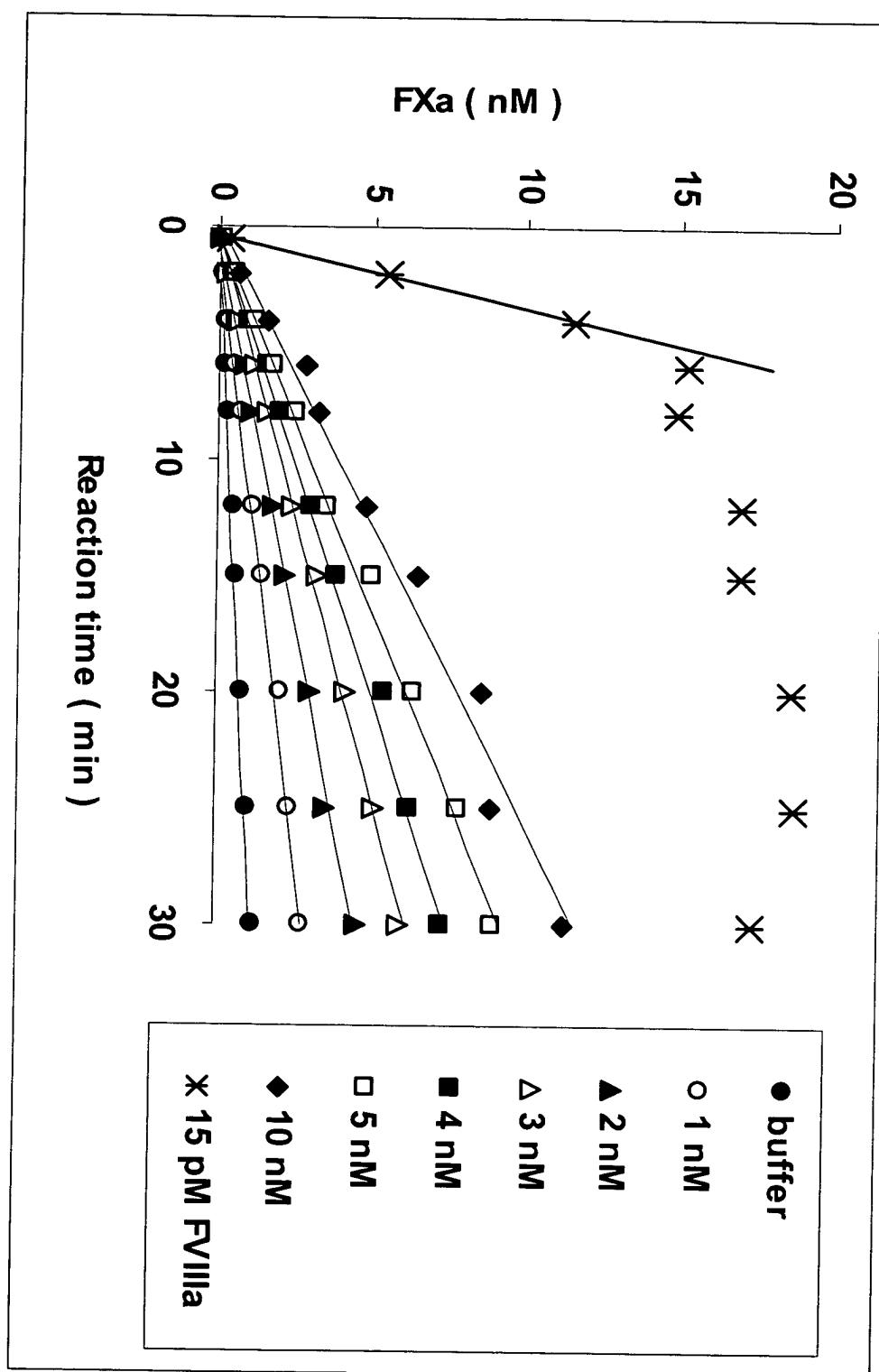
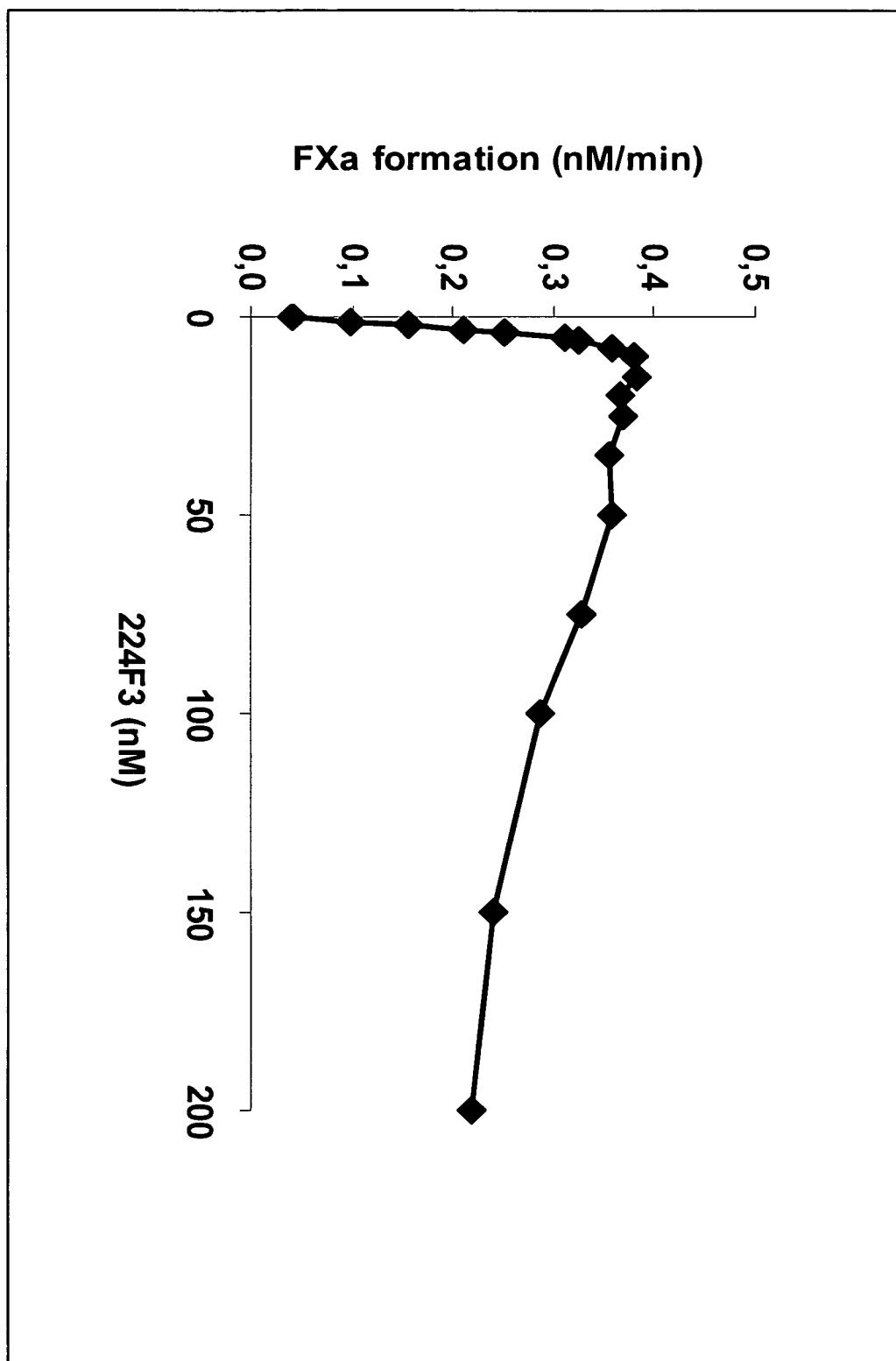


Figure 2a:

Figure 2b:



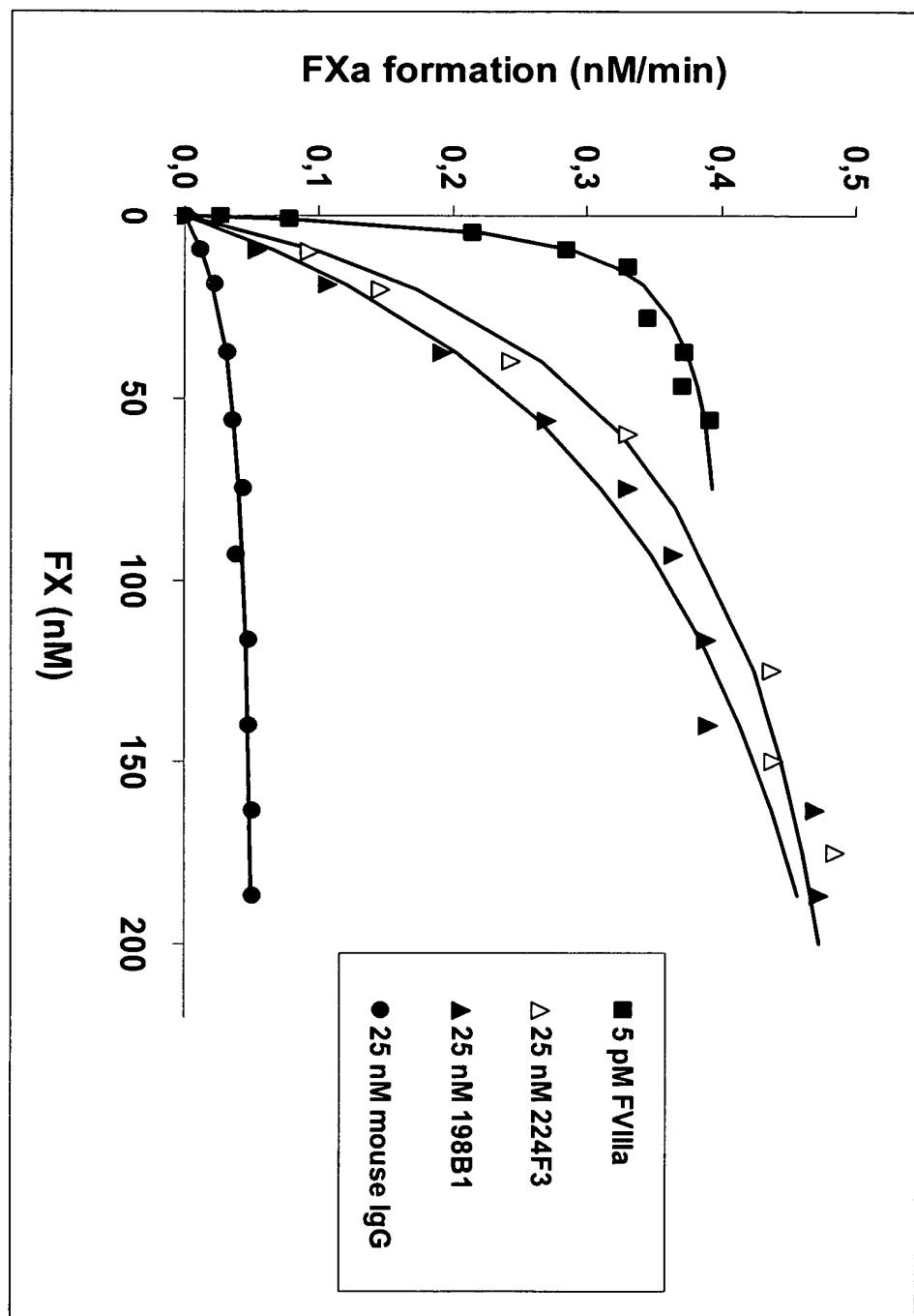


Figure 3

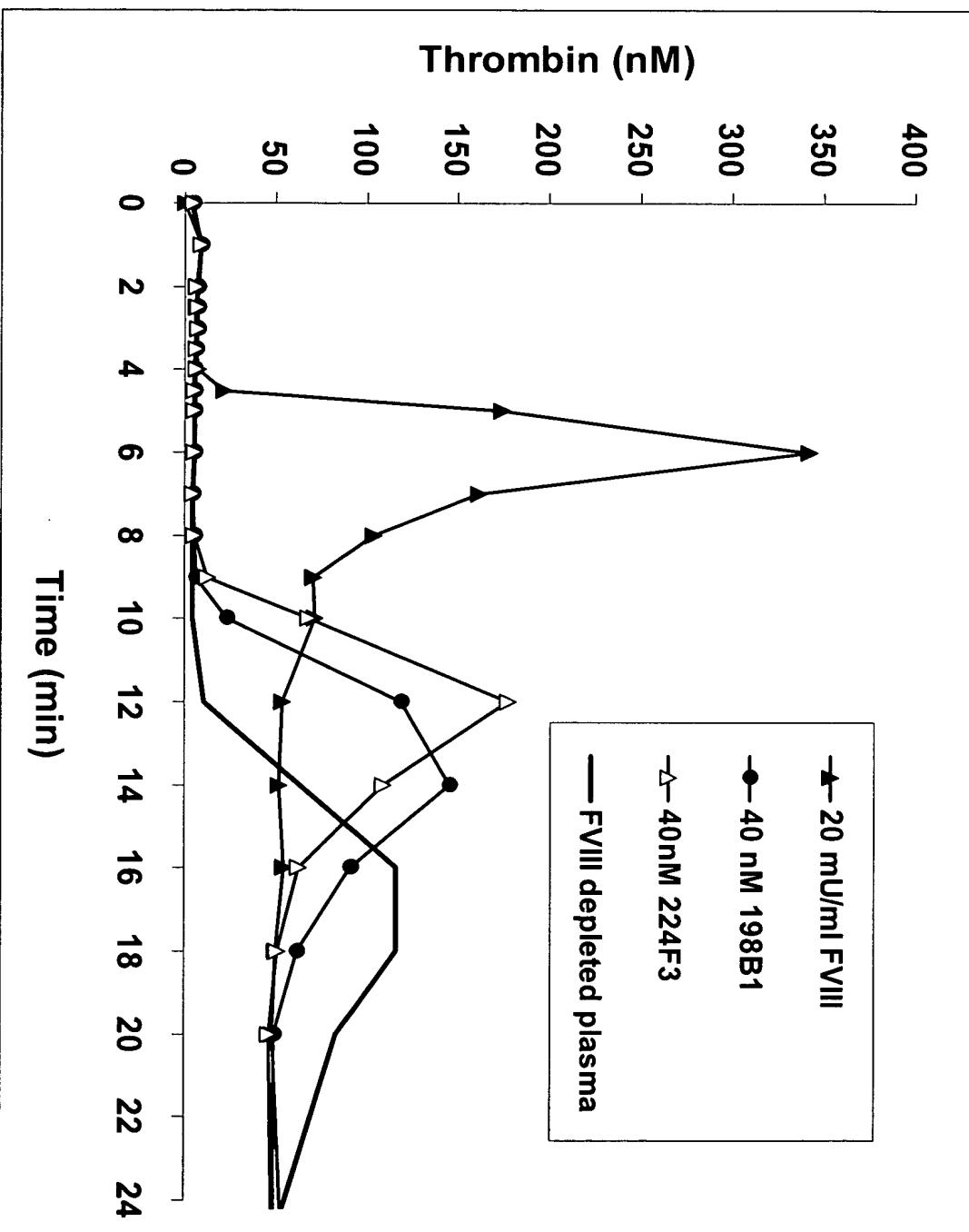


Figure 4:

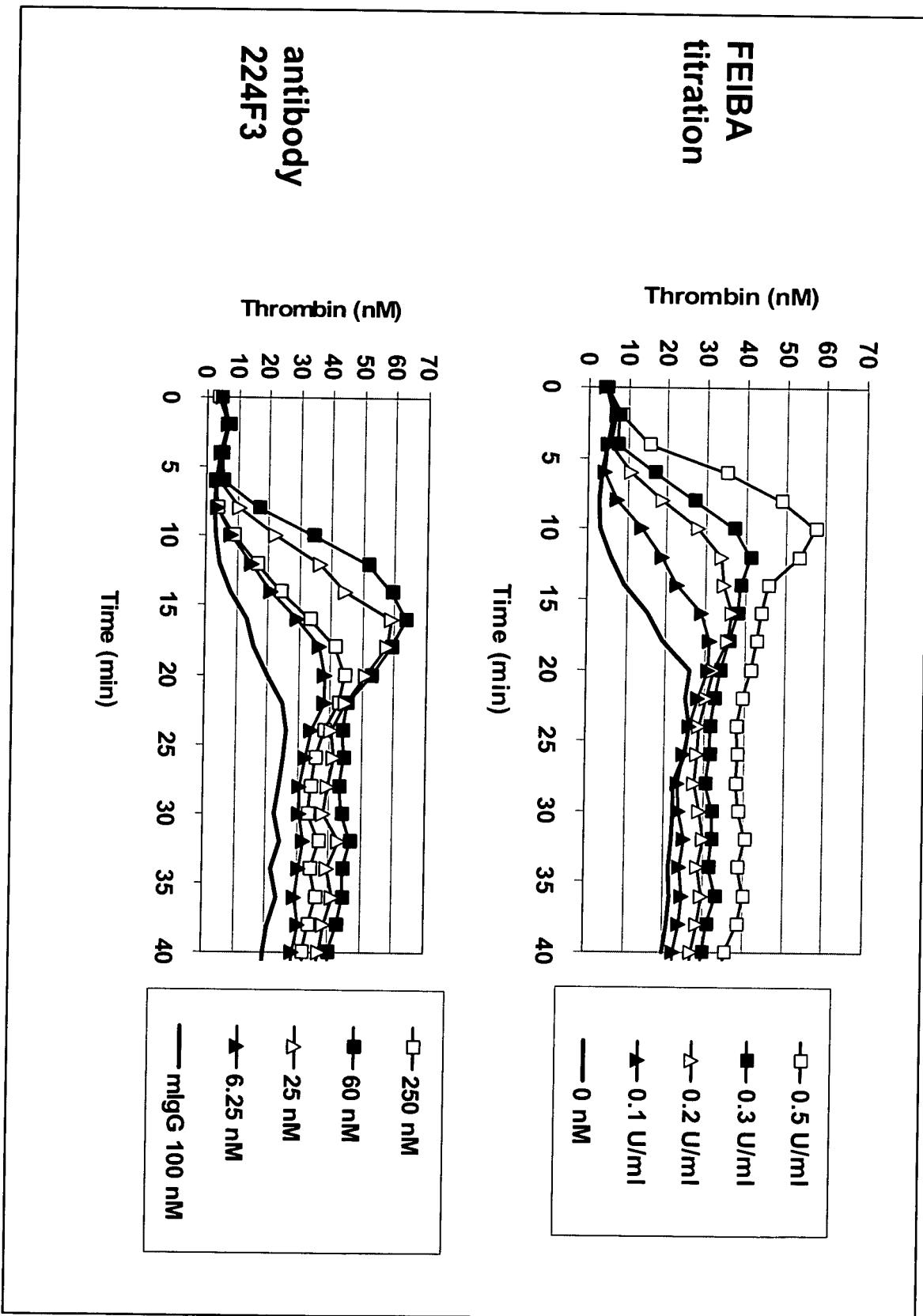


Figure 5:

1	Q	V	Q	M	Q	Q	S	G	A	E	L	V	K	P	G
	CAG	GTT	CAG	ATG	CAG	CAG	TCT	GGG	GCT	GAA	CTG	GTA	AAG	CCT	GGG
46	A	S	V	K	L	S	C	K	A	S	G	Y	T	F	T
	GCT	TCA	GTG	AAG	TTG	TCC	TGC	AAG	GCT	TCT	GGC	TAC	ACC	TTC	ACA
91	S	Q	D	I	N	W	V	R	Q	R	P	E	Q	G	L
	AGC	CAA	GAT	ATA	AAC	TGG	GTG	AGG	CAG	AGG	CCT	GAA	CAG	GGA	CTT
136	E	W	I	G	W	I	F	P	G	D	G	S	T	K	Y
	GAG	TGG	ATT	GGA	TGG	ATT	TTT	CCT	GGA	GAT	GGT	AGT	ACA	AAG	TAC
181	N	E	K	L	K	G	K	A	T	L	T	T	D	K	S
	AAT	GAG	AAG	TTG	AAG	GGC	AAG	GCG	ACA	CTG	ACT	ACA	GAC	AAA	TCC
226	S	S	T	A	F	M	Q	L	S	R	L	T	S	E	D
	TCC	AGC	ACA	GCC	TTC	ATG	CAG	CTC	AGC	AGG	CTG	ACA	TCT	GAG	GAC
271	S	A	V	Y	F	C	A	R	S	A	Y	Y	R	Y	D
	TCT	GCT	GTC	TAT	TTC	TGT	GCA	AGA	TCC	GCC	TAC	TAT	CGG	TAC	GAC
316	G	S	Y	Y	Y	A	M	D	Y	W	G	Q	G	T	S
	GGG	TCC	TAT	TAC	TAT	GCT	ATG	GAC	TAC	TGG	GGT	CAA	GGA	ACC	TCA
361	V	T	V	S	S										
	GTC	ACC	GTC	TCC	TCA										

**FIGURE 6**

1	Q    I    V    L    T    Q    S    P    A    I    M    S    A    S    L
	CAA ATT GTT CTC ACC CAG TCT CCA GCA ATC ATG TCT GCA TCT CTA
46	G    E    E    I    T    L    T    C    S    A    S    S    S    V    S
	GGG GAG GAG ATC ACC CTA ACC TGC AGT GCC AGC TCA AGT GTA AGT
91	Y    M    L    W    Y    Q    Q    K    S    G    T    S    P    K    L
	TAC ATG CTC TGG TAC CAG CAG AAG TCA GGC ACT TCT CCC AAA CTC
136	L    I    Y    T    T    S    N    L    A    S    G    V    P    S    R
	TTG ATT TAT ACC ACA TCC AAC CTG GCT TCT GGA GTC CCT TCT CGC
181	F    S    G    T    G    S    G    T    F    Y    S    L    T    I    S
	TTC AGT GGC ACT GGG TCT GGG ACC TTT TAT TCT CTC ACA ATC AGC
226	S    V    E    A    E    D    A    A    D    Y    Y    C    H    Q    W
	AGT GTG GAG GCT GAA GAT GCT GCC GAT TAT TAC TGC CAT CAG TGG
271	S    S    Y    P    R    T    F    G    G    G    T    K    L    E    I
	AGT AGT TAT CCA CGG ACG TTC GGT GGA GGC ACC AAG CTG GAA ATC
316	K    R
	AAA AGG

**FIGURE 7**

CDR Loops of antibody 224F3:

**Light chain**

L1 (SEQ ID NO:3): Ser<sub>24</sub> Ala<sub>25</sub> Ser<sub>26</sub> Ser<sub>27</sub> Ser<sub>28</sub> Val<sub>29</sub> Ser<sub>30</sub> Tyr<sub>31</sub>  
Met<sub>32</sub> Leu<sub>33</sub>

L2 (SEQ ID NO:4): Thr<sub>49</sub> Thr<sub>50</sub> Ser<sub>51</sub> Asn<sub>52</sub> Leu<sub>53</sub> Ala<sub>54</sub> Ser<sub>55</sub>

L3 (SEQ ID NO:5): His<sub>88</sub> Gln<sub>89</sub> Trp<sub>90</sub> Ser<sub>91</sub> Ser<sub>92</sub> Tyr<sub>93</sub> Pro<sub>94</sub> Arg<sub>95</sub>  
Thr<sub>96</sub>

**Heavy chain**

H1 (SEQ ID NO:6): Gly<sub>134</sub> Tyr<sub>135</sub> Thr<sub>136</sub> Phe<sub>137</sub> Thr<sub>138</sub> Ser<sub>139</sub> Gln<sub>140</sub> Asp<sub>141</sub>  
Ile<sub>142</sub> Asn<sub>143</sub>

H2 (SEQ ID NO:7): Trp<sub>158</sub> Ile<sub>159</sub> Phe<sub>160</sub> Pro<sub>161</sub> Gly<sub>162</sub> Asp<sub>163</sub> Gly<sub>164</sub> Ser<sub>165</sub>  
Thr<sub>166</sub> Lys<sub>167</sub>

H3 (SEQ ID NO:8): Ser<sub>207</sub> Ala<sub>208</sub> Tyr<sub>209</sub> Tyr<sub>210</sub> Arg<sub>211</sub> Tyr<sub>212</sub> Asp<sub>213</sub> Gly<sub>214</sub>  
Ser<sub>215</sub> Tyr<sub>216</sub> Tyr<sub>217</sub> Tyr<sub>218</sub> Ala<sub>219</sub> Met<sub>220</sub> Asp<sub>221</sub> Tyr<sub>222</sub>

**FIGURE 8**

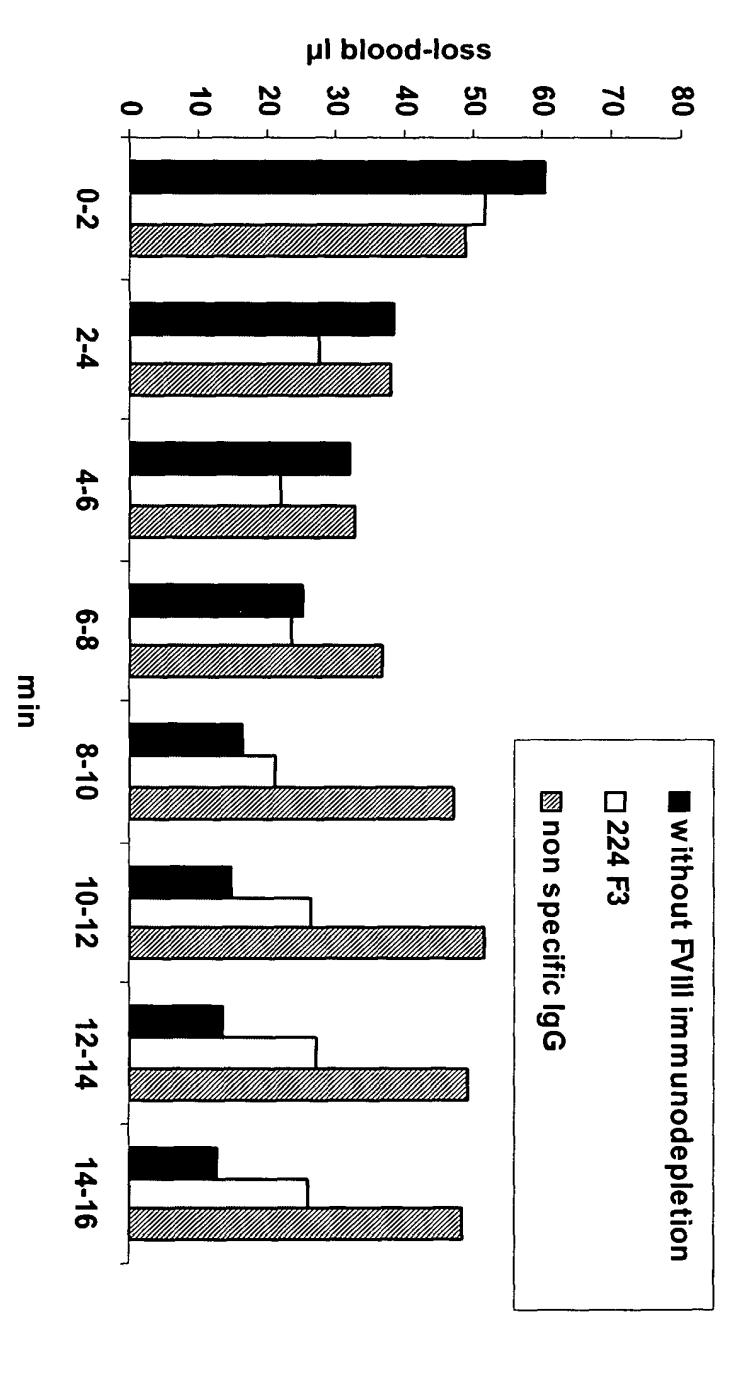


Figure 9:

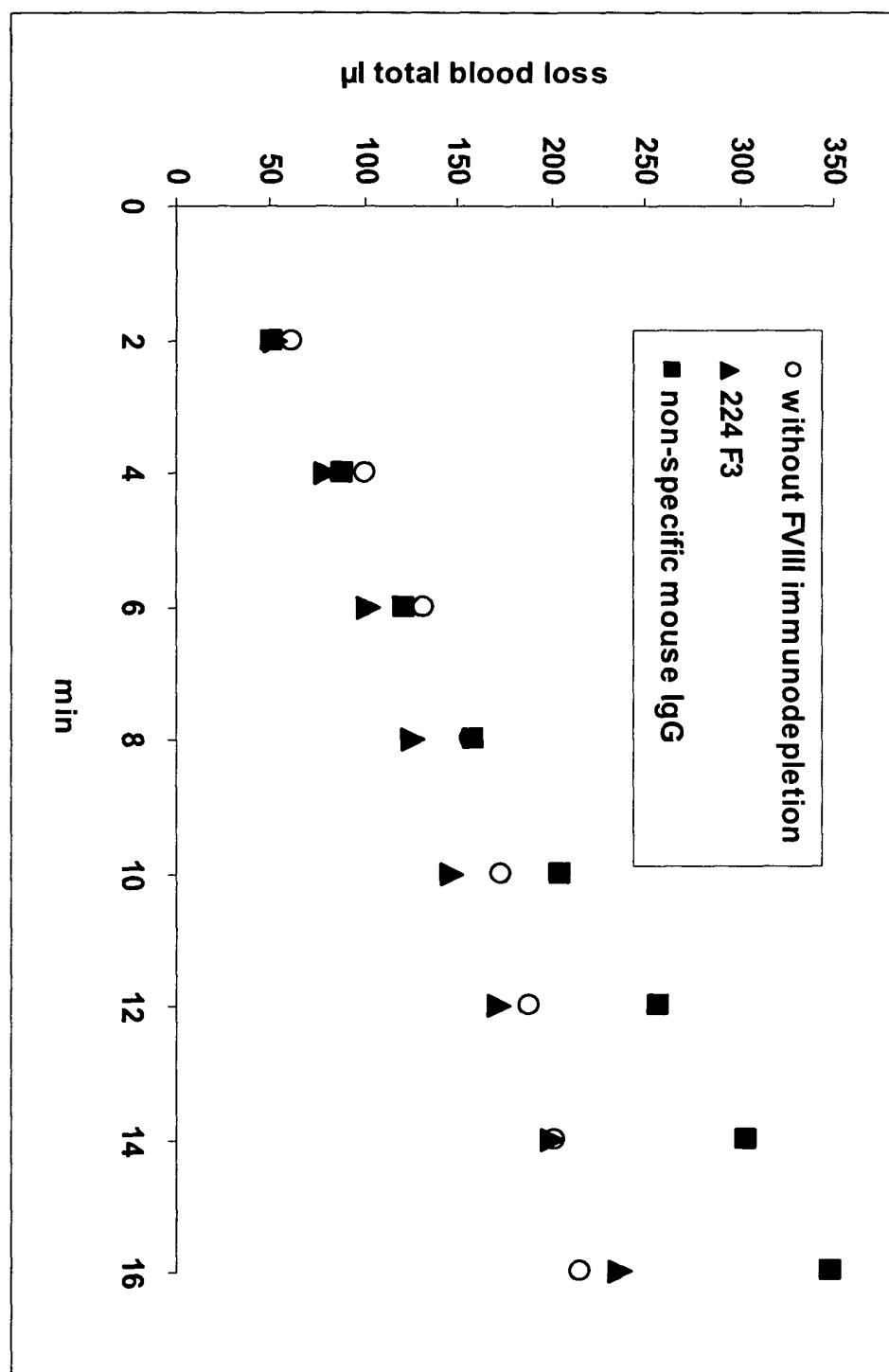


Figure 10: